

FACTORES VIRALES EN LA PATOGÉNESIS DEL VIRUS RESPIRATORIO SINCICIAL: GENOTIPOS Y CARGA VIRAL, ¿AFECTAN EL CURSO DE LA ENFERMEDAD?

Espinosa Vielma Yazmín, San Martín Quezada Camila, Torres Riquelme Alejandro, Espinoza Curillan María, Peña Cabrera Mónica, Farfán Urzúa Mauricio, Torres Torretti Juan Pablo, Tapia Faundes Lorena.

El Virus Respiratorio Sincicial (VRS) es la principal causa de infección respiratoria aguda baja (IRAB) en lactantes, sin embargo, se desconocen los factores tanto del hospedero, virales y ambientales que determinan gravedad en pacientes previamente sanos.

El VRS se clasifica en grupos antigénicos A y B y se sub-clasifica en genotipos, basándose en la secuencia nucleotídica del gen de la proteína G de superficie (G, F y SH). Estos grupos y genotipos pueden co-circular en epidemias. Se han definido patrones epidemiológico-moleculares anuales, pero aún se buscan genotipos que se relacionen con la gravedad de la infección.

Por otro lado, existe controversia acerca de si la carga viral en secreciones respiratorias se relaciona con la gravedad. Un estudio reciente y local, analizó los genotipos en 33 casos de lactantes infectados por VRS ocurridos en 2010 y 2011, detectando asociación de un genotipo específico (NA1) con mayor gravedad y mayor carga viral durante el año 2010, sugiriendo que la aparición de un nuevo genotipo en población susceptible puede ser la causa de los hallazgos.

Métodos: Se analizaron 90 lactantes menores de 1 año, previamente sanos, cursando su primera IRAB por VRS adquirida en la comunidad, hospitalizados en Hospital Roberto del Río (HRR), Santiago de Chile, durante los brotes epidémicos (Mayo a Septiembre) de los años 2013 y 2014. Los casos se caracterizaron según: a) antecedentes demográficos y clínicos relevantes; b) gravedad del cuadro clínico; c) genotipo del VRS detectado; y d) carga viral.

Resultados: VRS grupo A se detectó en el 86% de las muestras 2013, y VRS B en el 91% del año 2014 ($p=0,000$). El porcentaje de casos graves fue de 45% el 2013 y 40% el 2014 ($p=0,63$). No se detectó asociación entre gravedad de la infección y grupo viral ni genotipo. En cuanto a carga viral, se encontró un mayor número de copias de VRS en los casos con menos de 3 días de enfermedad ($p=0,02$), especialmente en el grupo de pacientes que desarrolló enfermedad grave por VRS ($p=0,07$).

Conclusiones: VRS A y B predominaron distintamente los años 2013 y 2014. No detectamos asociación de grupo o genotipo viral con la gravedad de la infección. Una alta carga viral durante los primeros días de enfermedad podría ser un biomarcador de gravedad en nuestros pacientes.